



**Honorable Concejo Deliberante de Pergamino**  
2024 - Año de la defensa de la vida, la libertad y la propiedad

**Comunicacion**

**Número:**

Pergamino,

**Referencia:** COMUNICACION 3692-24 EX-1286-24 CONICET

---

**EX-2024-1286-PERHCD-HCD UNNOBA - CENTRO DE BIOINVESTIGACIONES. Andrés Lavore**  
- Eleva consideraciones respecto del SISTEMA DE CIENCIA Y TECNICA NACIONAL.-

**VISTO:**

Ex 1286-24 Ref. Nota presentada por Investigadores del CEBIO Pergamino: “Situación problemática que afecta al Sistema de Ciencia y Técnica Nacional”.

**CONSIDERANDO:**

QUE EL CONICET es el principal organismo dedicado a la promoción de la Ciencia y la Tecnología en la Argentina.

Actualmente, se desempeñan en el organismo más de 11.800 investigadores e investigadoras, más de 11.800 becarios y becarias de doctorado y postdoctorado, más de 2.900 técnicos, técnicas y profesionales de apoyo a la investigación y aproximadamente 1.500 administrativos y administrativas. Trabajan distribuidos/as a lo largo del país -desde la Antártida hasta la Puna y desde la Cordillera de los Andes hasta el Mar Argentino- en sus 16 Centros Científicos Tecnológicos (CCT), 8 Centros de Investigaciones y Transferencia (CIT), un Centro de Investigación Multidisciplinario y más de 300 Institutos y Centros exclusivos del CONICET y de doble y triple dependencia con universidades nacionales y otras instituciones.

Su actividad se desarrolla en cuatro grandes áreas del conocimiento:

- Ciencias Agrarias, de Ingeniería y de Materiales
- Ciencias Biológicas y de la Salud
- Ciencias Exactas y Naturales
- Ciencias Sociales y Humanidades

QUE Argentina cuenta con destacadísimos científicos , algunos de ellos hacedores de Premios Nobeles , dado a su calidad científica como por sus descubrimientos, lo que realza la calidad de la ciencia en este país como:

- Cesar Milstein, fue un químico argentino ganador del Premio Nobel en Medicina en 1984 por sus investigaciones sobre los anticuerpos monoclonales

- Sara Bartfeld de Rietti, más conocida como Sara Rietti, fue la primera química nuclear de Argentina.
- Bernardo Houssay, fue un médico, catedrático y farmacéutico argentino. Por sus descubrimientos sobre el papel que desempeñan las hormonas pituitarias en la regulación de la cantidad de azúcar en la sangre. Creador Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas (CONICET, 1958), del que fue presidente hasta su muerte, en el año 1971.
- Emma V. Perez Ferreira, fue una física argentina que contribuyó inmensamente en el avance de la ciencia de su país y fue pionera de la informática en Argentina. Desarrolló su labor en la Comisión Nacional de Energía Atómica, siendo la primera mujer en ocupar la presidencia de dicho organismo
- Luis Federico Leloir, fue un médico, bioquímico y farmacéutico argentino que recibió el Premio Nobel de Química en 1970 por sus investigaciones sobre los nucleótidos de azúcar, y el rol que cumplen en la fabricación de los hidratos de carbono
- Irene Maria Bernasconi, fue una bióloga marina argentina especializada en la investigación sobre equinodermos, y conocida por su trabajo en el mar Antártico, en el sector argentino

QUE El Centro de Bioinvestigaciones (CeBio) es un instituto de investigación de doble dependencia (UNNOBA-CICPBA) en el cual parte de sus investigadores y becarios pertenecen al centro de investigación y transferencia del CONICET denominado CITNOBA (Centro de Investigación y transferencia del noroeste de la provincia de Buenos Aires). El objetivo principal del CeBio es generar y difundir conocimiento científico en el área de las Ciencias Biológicas a través de la investigación, la docencia, la transferencia interdisciplinaria con otros centros y la vinculación con la sociedad. El instituto fue creado en 2011 con la incorporación de cinco investigadores provenientes de la Universidad Nacional de La Plata (UNLP) y la Universidad de Buenos Aires (UBA). Se encuentra ubicado en un predio del INTA Pergamino, con una superficie total de aproximadamente 300 metros cuadrados. Cuenta con laboratorios de biología molecular, una sala de limpieza y agua, una sala de microscopia y oficinas. Paralelo al edificio central, se ubica un bioterio para la cría de insectos. El laboratorio cumple con todas las normativas vigentes de bioseguridad e higiene laboral. Su ubicación en el área núcleo de la producción agrícola de Argentina permite un fluido intercambio con la sociedad, lo que facilita conocer las necesidades (sociales y ambientales) del entorno y enfocar las líneas de investigación con miras a dar respuestas a estas demandas. Además, en articulación con la UNNOBA, se promueve a la formación de recursos humanos locales aprovechando la relación directa con las carreras de Genética y Agronomía. La misión principal de los investigadores del CeBio es generar conocimiento científico competitivo a nivel internacional. Los laboratorios se interesan en aspectos variados de la ciencia, desde el estudio de los genomas a la biodiversidad. A continuación, se listan algunas de las líneas de investigación en curso:

### Genómica de Insectos

Investigador a cargo: Dr. Rolando Rivera Pomar

Nuestro laboratorio se interesa por cómo se decodifica la información de los genomas. Nuestro objetivo es conocer cómo los genes se regulan unos a otros dentro del genoma para formar un organismo y su relación con el medio ambiente y otros organismos. Nuestras dos líneas de investigación principales son: 1. El análisis de genomas de insectos; 2. El metabolismo del ARN mensajero. Nuestros modelos de estudio son los insectos, el grupo más biodiverso del planeta. Entre ellos, *Drosophila melanogaster* y *Oncopeltus fasciatus* son modelos para estudiar procesos celulares básicos; *Triatoma infestans* y *Rhodnius prolixus* (vectores de la enfermedad de Chagas) y *Drosophila suzukii* (plaga de frutales) son de interés económico y los estudiamos para conocer más sobre sus procesos fisiológicos y moleculares con el fin de diseñar alternativas de control; *Andiperla morenensis*, una especie que descubrimos en los glaciares patagónicos, es un modelo para estudiar la adaptación a ambientes extremos. Nuestros estudios implican una interacción interdisciplinaria con investigadores de distinto origen. Genómica de Insectos. Investigador a cargo: Dr.

Rolando Rivera Pomar. Nuestro laboratorio se interesa por cómo se decodifica la información de los genomas. Nuestro objetivo es conocer cómo los genes se regulan unos a otros dentro del genoma para formar un organismo y su relación con el medio ambiente y otros organismos. Nuestras dos líneas de investigación principales son: 1. El análisis de genomas de insectos; 2. El metabolismo del ARN mensajero. Nuestros modelos de estudio son los insectos, el grupo más biodiverso del planeta. Entre ellos, *Drosophila melanogaster* y *Oncopeltus fasciatus* son modelos para estudiar procesos celulares básicos; *Triatoma infestans* y *Rhodnius prolixus* (vectores de la enfermedad de Chagas) y *Drosophila suzukii* (plaga de frutales) son de interés económico y los estudiamos para conocer más sobre sus procesos fisiológicos y moleculares con el fin de diseñar alternativas de control; *Andiperla morenensis*, una especie que descubrimos en los glaciares patagónicos, es un modelo para estudiar la adaptación a ambientes extremos. Nuestros estudios implican una interacción interdisciplinaria con investigadores de distinto origen y formación, uniendo genetistas, biólogos moleculares, bioinformáticos, agrónomos y entomólogos. Utilizamos técnicas de biología celular y molecular, embriología comparada, genética directa y reversa, secuenciación genómica, proteómica y edición genómica.

**PALABRAS CLAVE:** genómica, proteómica, biología del desarrollo, insectos.

Control de insectos plagas

Investigador a cargo: Dra. María Inés Catalano

Nuestro laboratorio tiene por objetivo generar información sobre dos de las principales plagas de maíz, con el objetivo a mediano plazo de desarrollar técnicas de control autocida, amigables con el medio ambiente. *Dalbulus maidis* (De Long & Wolcott, 1923) (Hemiptera, Cicadellidae) y *Delphacodes kuscheli* Fennah, 1955 (Hemiptera, Delphacidae) tienen una alta capacidad vectora de los agentes causantes del achaparramiento del maíz y del Mal de Río Cuarto, respectivamente. Para tal fin se utilizan técnicas de transcriptómica, incluyendo secuenciación y análisis in silico, así como técnicas de genómica funcional de silenciamiento génico, a modo de ensayos preliminares. En este proyecto se están desarrollando nuevas tecnologías de edición de genomas con el fin de diseñar nuevos mecanismos de control de la transmisión de la enfermedad por parte de los insectos que sean ecológicamente sustentables. En este aspecto se combinan las capacidades de genetistas, ingenieros agrónomos y fitopatólogos.

**PALABRAS CLAVE:** plagas, maíz Corn Stunt, Mal de Río Cuarto, silenciamiento

Revelando los actores genéticos involucrados en la ovogénesis y embriogénesis temprana del insecto plaga, *Nezara viridula*

Investigador a cargo: Dra. Agustina Pascual

Nuestro laboratorio se interesa en conocer la regulación del proceso de ovogénesis en el insecto plaga, *Nezara viridula*, comúnmente conocida como chinche verde o SGSB. Nuestro objetivo es generar información genética crucial sobre este proceso, identificando los actores genéticos que desempeñan un rol clave en el desarrollo del ovocito, permitiendo sentar las bases para comprender la reproducción en insectos, revelar los mecanismos regulatorios subyacentes a dicho proceso, y desarrollar nuevas estrategias de control de plagas. Para alcanzar estos objetivos, utilizamos herramientas avanzadas de edición y silenciamiento génico junto a técnicas de secuenciación masiva de nueva generación (ARN-seq) para la identificación y caracterización funcional de los genes de interés. Los resultados obtenidos son de potencial importancia en el establecimiento de las bases genéticas y fisiológicas necesarias para desarrollar estrategias de control innovadoras y ecológicamente sostenibles.

Genética del desarrollo y fisiología respiratoria de insectos, usando para esto a *R. prolixus*, insecto vector de la enfermedad del Chagas-Maza.

Investigador a cargo: Dr. Andrés Lavore

Actualmente se cuenta con un amplio conocimiento de los genes que son requeridos para la formación del sistema traqueal de *Drosophila melanogaster*, pero muy poco se sabe de la genética del desarrollo vinculada a este sistema en otros insectos, en especial hemimetábolos. La información genómica de *Rhodnius prolixus*, insecto vector de la enfermedad del Chagas, se encuentra disponible, y actualmente se está llevando adelante el proceso de anotación funcional de genes. Además de su importancia como vector de Chagas, *R. prolixus*, representa un modelo clásico para el estudio de la fisiología de insectos, y recientemente resurgió como modelo de estudio en biología del desarrollo. En este marco, el proyecto que llevo adelante realiza el primer análisis de la genética del desarrollo del sistema traqueal en un insecto hemimetábolo. El objetivo general es identificar y caracterizar funcionalmente los genes involucrados en el desarrollo del sistema traqueal de *R. prolixus*, así como también los implicados frente a la disminución sistémica de la concentración de oxígeno (hipoxia). Para esto utilizamos variadas herramientas de biología molecular, genética reversa y secuenciación de nueva generación (RNAseq) para la identificación y validación de genes blanco que actúen durante la traqueogénesis y respuesta a hipoxia en insectos.

**PALABRAS CLAVE:** Traqueogénesis, *R. prolixus*, Hipoxia, Genómica

Sistemática y ecología de ectoparásitos. Sanidad animal y Enfermedades parasitarias

Investigador a cargo: Dra. Juliana Sanchez

La línea de investigación del laboratorio de Biodiversidad y Epidemiología Ectoparasitaria tiene como objetivo general ampliar el conocimiento bioecológico de los ectoparásitos de mamíferos de Argentina; evaluar las estrategias que posibilitan su transmisión e instalación y establecer pautas de prevención y control en aquellas ectoparasitosis de importancia sanitaria. En este los ectoparásitos, con el fin de generar información base para estudios posteriores. Además, se estudia la diversidad y preferencias hospedatorias de las especies de ectoparásitos, conociendo sus rangos de distribución geográfica e interpretando las relaciones que tienen lugar entre parásito, hospedador y ambiente, y se evalúa la importancia epidemiológica de los ectoparásitos, analizando su rol en la transmisión de patógenos. El fin último de esta línea de investigación es evaluar la implicancia de los ectoparásitos en la sanidad humana y animal, generando información útil para el desarrollo de estrategias de control de las especies de ectoparásitos que presentan importancia sanitaria.

**PALABRAS CLAVE:** Ectoparásitos, Mamíferos, Importancia Sanitaria

Patrones de distribución, biodiversidad y variabilidad genética de mamíferos del centro y sur de argentina

Investigador a cargo: Dra. Gabriela P. Fernández

Dentro del marco conceptual y metodológico de la genética de poblaciones, la filogeografía y la genética de la conservación, nos proponemos aportar conocimiento biológico, genético y/o taxonómico para diversos grupos de mamíferos de Argentina, con el objetivo de conocer sus patrones de distribución genética y geográfica, así como contribuir a la determinación del grado de amenaza de las especies (y/o de sus poblaciones locales). El foco de la investigación está puesto en dos grandes grupos de mamíferos silvestres bien diferenciados, roedores y carnívoros, no sólo en términos biológicos sino en relación a sus problemáticas con el ambiente y con el ser humano. Con este fin utilizamos diferentes tipos de marcadores moleculares (mitocondriales y nucleares) y las herramientas metodológicas de la genética, la biología molecular, y la bioinformática en el abordaje de las diferentes problemáticas planteadas. Finalmente, nos proponemos dar continuidad a formación de recursos humanos, contribuir al aumento de la masa crítica dentro de la UNNOBA, así como a la generación de conocimiento científico y su divulgación, a través de la publicación del mismo en distintos ámbitos científico-académicos, con fuerte impacto en el área de la genética, la mastozoología y la conservación de la biodiversidad.

**PALABRAS CLAVE:** Mamíferos, variabilidad genética, relaciones filogenéticas, biodiversidad

Conservacion, variabilidad genética y aspectos sanitarios en los planteles de los productores porcinos y

poblaciones silvestres de sus scrofa en la región central de argentina

Investigador a cargo: Dr. Mariano L. Merino

El presente proyecto tiene por objetivo analizar la variabilidad genética de los cerdos de las poblaciones silvestres de sus scrofa en la región central de Argentina de estas producciones. La Hibridación entre poblaciones silvestres y cerdos domésticos producen un patrón confuso de distribución e interrelaciones entre las variedades domésticas, silvestres e híbridas. Dentro de este proceso los pequeños productores porcinos son el reservorio de la diversidad genética. Los estudios a realizar son de gran importancia para la conservación de los recursos genéticos y permitirá reconstruir la historia evolutiva de los cerdos en la zona centro de Argentina. Los resultados de este proyecto, sumados a los de otros trabajos posibilitará la diferenciación de los productos de los pequeños productores porcinos, especialmente los chacinados y embutidos. Así mismo realizará un aporte al conocimiento de los aspectos sanitarios mediante un relevamiento de los establecimientos de producción porcina y poblaciones silvestres que puedan actuar como reservorios.

**PALABRAS CLAVE:** Cerdos, genética, sanidad, recursos genéticos/actividad cinegética.

Genómica-poblacional de *Trypanosoma cruzi* en el norte de la provincia de Buenos Aires. Determinación de unidades de tipificación y estructura poblacional del patógeno como herramienta para la toma de decisiones de control epidemiológico.

Investigador a cargo: Dr. Carlos Figueroa

El Chagas es una enfermedad endémica de Argentina que afecta aproximadamente a 1,5 millones de personas en el país, encontrándose a lo largo de todo el territorio. El agente etiológico es el parásito *Trypanosoma cruzi*, el cual se clasifica en 7 grupos genéticos intraespecíficos llamados Unidades Discretas de Tipificación (UDTs). Estas unidades presentan niveles variables de patogenicidad, ciclos de transmisión diferencial y asociación geográfica. En Argentina es escasa la información disponible sobre la distribución y frecuencia de estas UDTs, particularmente en áreas no endémicas, donde cobra relevancia la transmisión vertical (de personas gestantes a hijos). En este contexto, esta línea propone realizar una caracterización genética de las poblaciones de *T. cruzi* en el norte de la provincia de Buenos Aires, área no endémica, que tiene la particularidad de registrar un elevado flujo migratorio estacional desde áreas endémicas de Chagas. Los conocimientos generados conformarán las bases y herramientas para futuras estrategias sanitarias y para la toma de decisiones en el control del Chagas,-

**PALABRAS CLAVE:** *Trypanosoma cruzi*, Chagas, gestión sanitaria

**QUE** El CEBIO Pergamino por medio de sus representantes manifestaron la preocupación de los siguientes puntos:

- 1) Suspensión de programas y/o actividad administrativa para la ejecución de proyectos financiados por la Agencia Nacional de Promoción de la Investigación, el Desarrollo Tecnológico y la Innovación (AGENCIA): - Procesos biogeográficos e impacto antrópico en poblaciones de Puma con color del Centro y Sur de Argentina: un abordaje desde la genómica (01-PICT 2022-2022-03-00374). Investigador Responsable: Dra. Gabriela P. Fernández
- Caracterización genética del proceso de ovogénesis en *Nezara viridula*, identificación de nuevos genes blancos para el control del insecto plaga (01-PICT 2022-2022-03-00373). Investigador Responsable: Dra. Agustina Pascual.
- Biología de *Andiperla morenensis* (Plecoptera Gripopterygidae), insecto endémico de los glaciares de Patagonia (01-PICT 2022-2022-01-00023). Investigador Responsable: Dr. Rolando Rivera Pomar.

2) Falta de Envío - PICTE NUEVOS LABORATORIOS 2022 (01-PICTE-2022-05-00252). Investigador Responsable: Dra. María Inés Catalano.

Falta de envío - PICTE REPARACIÓN Y OPTIMIZACIÓN 2022 (01-PICTE-2022-06-00182). Investigador Responsable: Dr. Andrés Lavore.

3) Finalización de becas posdoctorales de la cohorte 2021-2024: La finalización de estas becas el 31/07 ha afectado directamente a 240 becarios posdoctorales, incluyendo al Dr. Carlos Figueroa, miembro de nuestro instituto, Esta medida contradice la resolución 967/21 (ver adjunto), que dictamina la prórroga de las becas hasta la resolución del llamado a ingreso a carrera de investigador, un proceso que suele extenderse por varios meses

4) En la convocatoria 2022 para el ingreso a la Carrera de Investigador Científico y Tecnológico (CIC), 850 doctores fueron seleccionados bajo concurso y notificados en septiembre noviembre de 2023 (RESOL-2023-2100-APN-DIR#CONICET, ver documento adjunto). Sin embargo, ninguna de estas personas ha sido designada oficialmente en sus cargos. Si bien los trámites han avanzado dentro de la estructura administrativa de CONICET, no han progresado en Empleo público. Entre los afectados se encuentra la Dra. Agustina Pascual, becaria posdoctoral de nuestro instituto. Esta situación genera una gran preocupación, particularmente debido a la medida cautelar presentada en octubre de 2023 que ordena la “inmediata suspensión de todos aquellos actos que comprometan los recursos del Estado Nacional más allá del término del mandato del actual Presidente de la República Argentina”. Esta medida incluye los ingresos a la administración pública y los cargos de CONICET del corriente año. A esto se le suma la notificación recibida por los investigadores seleccionados indicando que la designación está sujeta a la disponibilidad de vacantes y a la Ley de Presupuesto.-

5) Finalmente, nuestro Instituto se enfrenta a fuertes limitantes edilicias al crecimiento y desarrollo de Investigadores en sus diferentes etapas de formación, lo que imposibilita el reclutamiento de nuevos recursos humanos y/o grupos de investigación de calidad a la Región. Respecto a esto y a los recortes en los gastos extraordinarios en el presupuesto universitario, vemos muy difícil una inversión en infraestructura por parte de la UNNOBA.

QUE Actualmente en el CEBIO PERGAMINO interactúan ocho investigadores en diferentes etapas de formación, una becaria posdoctoral, nueve becarios doctorales, seis tesis de grado y un técnico de laboratorio. Dicho Centro jerarquiza el nivel científico de nuestra ciudad dado que han aportado valiosísimos proyectos de investigación sobre plagas como (Dalbulus Mai) - (Hemiptera, Delphacidae) que hoy en día afectan a la producción de nuestro partido y sus alrededores.-

QUE las becas doctorales y posdoctorales del CONICET son uno de los pilares de la investigación científica y de la docencia universitaria en nuestro país. Luego de completar las carreras de grado con un alto promedio, se concursan por becas doctorales que duran cinco años. Al finalizar el doctorado, habiendo cumplido con extensas exigencias de investigación, publicación de resultados y docencia universitaria, se vuelve a concursar por becas posdoctorales, que son un paso intermedio hacia un puesto permanente de investigación, en lo que se conoce en el CONICET como la Carrera del Investigador Científico (CIC). Durante todo este exigente proceso de formación, deben permanecer de manera exclusiva, bloqueándose cualquier oportunidad laboral.-

QUE atento al tratamiento conjunto solicitamos se anexe el Expte: 2719/24: Proyecto de Resolución Ref. “Manifiestar preocupación por la situación del cese arbitrario de 300 becarios/as posdoctorales del CONICET y a su vez resaltar el beneplácito por el trabajo llevado a cabo por una línea de investigación del Centro de Bio a Expte 1286/ 24

## **POR LO EXPUESTO,**

El Honorable Concejo Deliberante, en la **Décima Segunda Sesión Ordinaria**, realizada el martes 27 de

agosto, **aprobó por mayoría** el despacho de la mayoría, la siguiente:

## **COMUNICACIÓN**

**ARTÍCULO 1º:** Solicitar al señor Presidente del CONICET Daniel Felipe Salomone, y por su intermedio ante el área que corresponda, informe la situación a la Carrera de Investigador Científico y Tecnológico (CIC) de la Dra. Agustina Pascual, becaria posdoctoral de nuestro instituto, como también la beca posdoctoral de la cohorte 2021-2024 del Dr. Carlos Figueroa también integrante del Cebio Pergamino.-

**ARTÍCULO 2º:** Solicitar a la Presidente Dra Alicia Ines Caballero y por su intermedio al área que corresponda de la Agencia Nacional de Promoción 9 de Promoción de la Investigación ,el desarrollo Tecnológico y la innovación (AGENCIA); informe sobre la situación actual de los programas y/o actividad administrativa para la ejecución de proyectos: Procesos biogeográficos e impacto antrópico en poblaciones de Puma con color del centro y sur de Argentina: un abordaje desde la genómica (01-PICT 2022-2022-03-00374) Investigador Responsable :Dra. Gabriela. P. Fernandez - Caracterización genética del proceso de ovogénesis en *Nezara viridula*, identificación de nuevos genes blancos para el control del insecto plaga (01-PICT 2022-2022-03-00373). Investigador Responsable: Dra. Agustina Pascual. - Biología de *Andiperla morenensis* (Plecoptera Gripopterygidae), insecto endémico de los glaciares de Patagonia (01-PICT 2022-2022-01-00023). Investigador Responsable: Dr. Rolando Rivera Pomar.

**ARTÍCULO 3º:** Solicitar informe de la situación de los tramites de adquisición de tecnología solicitados a el año 2022 - PICTE NUEVOS LABORATORIOS 2022 (01-PICTE-2022-05-00252). Investigador Responsable: Dra. María Inés Catalano. PICTE REPARACIÓN Y OPTIMIZACIÓN 2022 (04PICTE-2022-06-00182). Investigador Responsable: Dr. Andrés Lavore.

**ARTICULO 4º:** Solicitar al Director de la UNNOBA Pergamino Dr Guillermo Tamarit que su intermedio y ante quien corresponda arbitre los medios, incorpore a su presupuesto fondos para realizar obras de infraestructura en el CEBIO Pergamino.-

**ARTÍCULO 5º:** El visto y considerandos forman parte de la misma.

**ARTÍCULO 6º:** De forma.-

## **COMUNICACIÓN 3692/24**

Pergamino, 29 de agosto de 2024